



简历



籍贯：黑龙江伊春

出生日期：2005/05/23

预备党员

Tel: 13816653239

E-mail:

Wangxinpei0523@email.swu.edu.cn

2838133128@qq.com

教育背景

西南大学 生命科学学院 生物科学（拔尖创新班） 2023.09—2027.06

学业成绩：GPA 4.1/5.0

专业学业排名 1/47 (2.13%)

核心课程：生物统计学（94）、分子生物学（93）、遗传学（92）、生态学（94）、普通生物学（88）

英语水平：CET4: 625; CET6: 608; 2025 年获校院资助赴英国苏塞克斯大学参加为期三周的暑期项目 *Biodiversity, Ecology and Conservation*, 获 A（全英文授课、考试）

计算机水平：具备扎实的生物信息学技能，熟练使用 R、Python 编程以及 Linux 操作系统，能够应用 Seurat、CellChat 等工具进行单细胞转录组学数据分析；擅长图片处理，如免疫组化数据定量；擅长 FigDraw 等科研绘图软件，熟练使用 Adobe Illustrator

荣誉：国家奖学金（连续两年）、校优秀学习奖（专业内学业成绩第一）、校三好学生、西南大学校园辩论赛冠军

科研经历

论文 *Mycobacterium tuberculosis* rewires host RNA splicing through effector-driven spliceosome remodeling 第一作者
International Immunopharmacology（中科院医学二区）在投

• 文章概要：系统性地揭示了结核分枝杆菌通过调控可变剪接重塑宿主免疫的核心机制，并构建了一个从 Mtb 效应子到免疫后果的因果链模型，为开发结核病新疗法提供了理论框架。

• 主要工作：我整理相关领域内文献，构建了文章的核心理论框架，即连接 Mtb 效应子、宿主剪接与免疫后果的因果链模型，并提炼出 Mtb 调控宿主剪接的三个关键切入点。

论文 *Kinases Associated with Herpes Zoster Virus Infection Unveiled by Phosphoromics Profiling* 第三作者
发表至 Infection and Drug Resistance（中科院医学三区）

• 文章概要：基于磷酸化组学分析了水痘-带状疱疹病毒（VZV）感染对宿主蛋白翻译后修饰的全局影响，发现 HZ 患者外周血中补体活化、凝血级联、内质网蛋白加工及 IL-17 信号通路等关键磷酸化事件显著改变。激酶-底物富集分析（KSEA）识别 CSNK2A1 和 PRKACA 为主要响应激酶，qPCR 和 ELISA 验证其转录及蛋白水平变化，Mendelian Randomization 分析显示 CSNK2A1 表达降低可能增加 HZ 风险，提示其在抗 VZV 感染中的保护作用。

• 主要工作：我主要负责 Figure 1/2 的数据整理与可视化，包括 HZ 疫苗及 VZV 感染数据的差异基因火山图、时间序列聚类图以及 KEGG/GO 通路富集图的制作，使 VZV 感染引起的宿主磷酸化全局变化直观呈现，为文章中病毒感染对宿主磷酸化调控的发现提供了关键图形支持。

校级大创《结核病患者单细胞可变剪接在结核病免疫微环境下的图谱构建及机制研究》负责人 2023.09—至今

• 主要工作：首次在单细胞水平构建了结核病免疫剪接图谱，揭示了可变剪接是驱动疾病恶化的关键机制，并鉴定出以 CIRBP 为代表的重症特异性剪接事件，为开发新型诊断标志物提供了新思路。

全国大学生生命科学竞赛《人类外周血单细胞转录组公共数据分析》队长 2023.01-至今

• 主要工作：计划搭建一个大规模、标准化的公共 PBMC 单细胞数据库与分析框架，通过系统性解决跨研究数据的可比性难题，成功解析了结核病 IGRA 诊断的假阴性机制，并发现了可弥补其诊断盲区的新型免疫标志物。

学生经历

班级学习委员/班长 2024.09—至今

• 工作内容：沟通班主任和同学，定期开展班级团建，协调班内事务

本科生党支部材料组负责人、纪检委员 2026.3.1-至今

• 工作内容：收集并整理支部党员、发展对象、积极分子材料，定期开展材料填写说明会；对接学生会、团支书